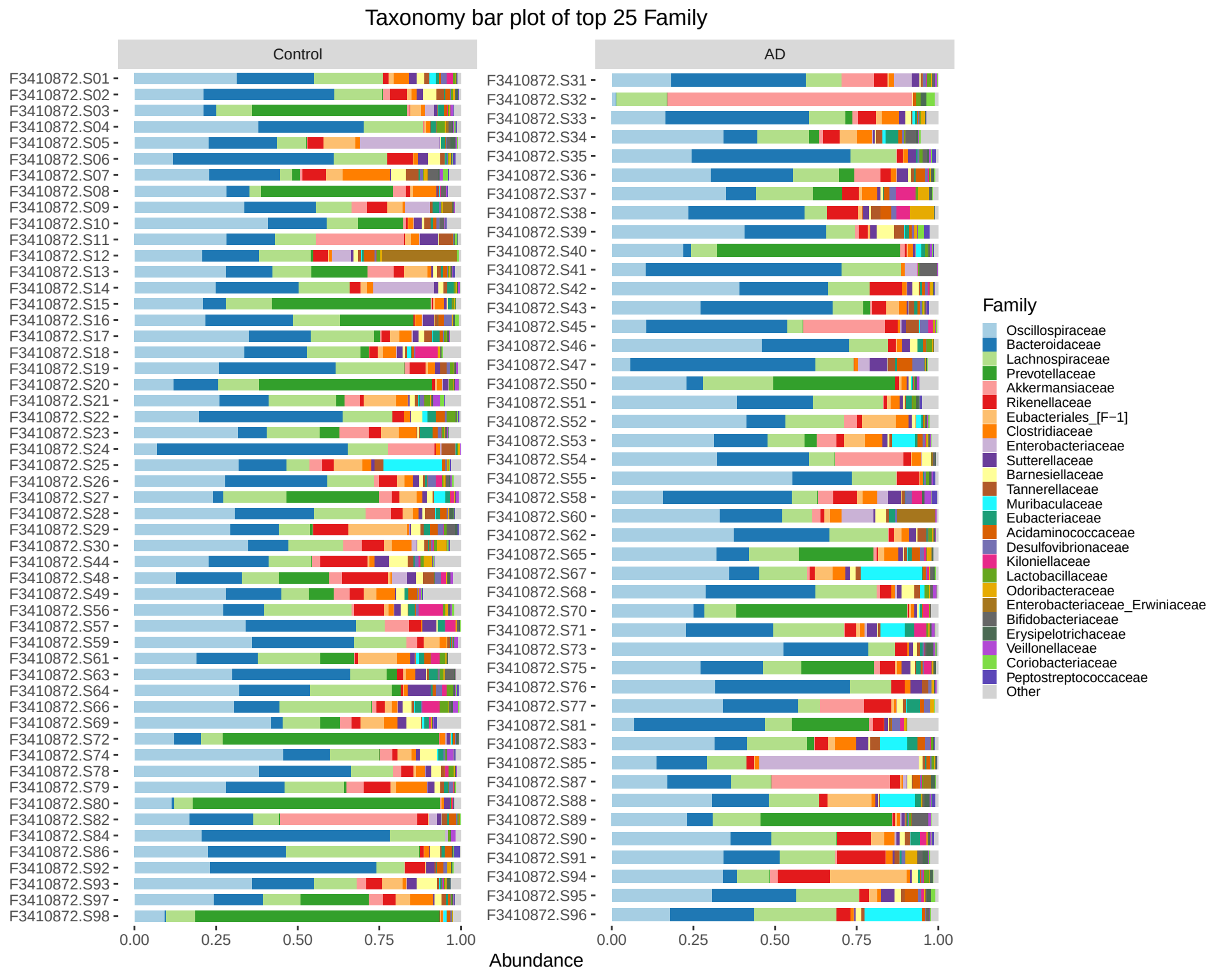
Taxonomy bar plot of top 25 Family
Control
AD
F3410872.S01
F3410872.S02
F3410872.S03
F3410872.S04
F3410872.S05
F3410872.S06
F3410872.S07
F3410872.S08
F3410872.S09
F3410872.S10
F3410872.S11
F3410872.S12
F3410872.S13
F3410872.S14
F3410872.S15
F3410872.S16
F3410872.S17
F3410872.S18
F3410872.S19
F3410872.S20
F3410872.S21
F3410872.S22
F3410872.S23
F3410872.S24
F3410872.S25
F3410872.S26
F3410872.S27
F3410872.S28
F3410872.S29
F3410872.S30
F3410872.S44
F3410872.S48
F3410872.S49
F3410872.S56
F3410872.S57
F3410872.S59
F3410872.S61
F3410872.S63
F3410872.S64
F3410872.S66
F3410872.S69
F3410872.S72
F3410872.S74
F3410872.S78
F3410872.S79
F3410872.S80
F3410872.S82
F3410872.S84
F3410872.S86
F3410872.S92
F3410872.S93
F3410872.S97
F3410872.S98
F3410872.S31
F3410872.S32
F3410872.S33
F3410872.S34
F3410872.S35
F3410872.S36
F3410872.S37
F3410872.S38
F3410872.S39
F3410872.S40
F3410872.S41
F3410872.S42
F3410872.S43
F3410872.S45
F3410872.S46
F3410872.S47
F3410872.S50
F3410872.S51
F3410872.S52
F3410872.S53
F3410872.S54
F3410872.S55
F3410872.S58
F3410872.S60
F3410872.S62
F3410872.S65
F3410872.S67
F3410872.S68
F3410872.S70
F3410872.S71
F3410872.S73
F3410872.S75
F3410872.S76
F3410872.S77
F3410872.S81
F3410872.S83
F3410872.S85
F3410872.S87
F3410872.S88
F3410872.S89
F3410872.S90
F3410872.S91
F3410872.S94
F3410872.S95
F3410872.S96
0.00
0.25
0.50
0.75
1.00
Abundance
Family
Oscillospiraceae
Bacteroidaceae
Lachnospiraceae
Prevotellaceae
Akkermansiaceae
Rikenellaceae
Eubacteriales_[F−1]
Clostridiaceae
Enterobacteriaceae
Sutterellaceae
Barnesiellaceae
Tannerellaceae
Muribaculaceae
Eubacteriaceae
Acidaminococcaceae
Desulfovibrionaceae
Kiloniellaceae
Lactobacillaceae
Odoribacteraceae
Enterobacteriaceae_Erwiniaceae
Bifidobacteriaceae
Erysipelotrichaceae
Veillonellaceae
Coriobacteriaceae
Peptostreptococcaceae
Other